

LES PRINCIPALES BASES DE DONNEES DU NCBI (2) : OUTILS UTILES

GEO (Gene expression omnibus)

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov:80/entrez/query.fcgi?db=geo>

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov:80/entrez/query.fcgi?db=gds>

A database of molecular abundance profiles by annotation or pre-computed profile characteristics.

SAGEmap (Serial Analysis of Gene Expression - Tag to Gene Mapping)

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/SAGE/>

SAGEmap is a SAGE data resource for the query and retrieval and analysis of SAGE data from any organism. All of the data present on this website has been accessioned in the [Gene Expression Omnibus repository](#) (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/geo/>)

CGAP (Cancer Genome Anatomy Project)

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/CGAP/>

The Cancer Genome Anatomy Project (CGAP) is an interdisciplinary program established and administered by the National Cancer Institute (NCI) to generate the information and technological tools needed to decipher the molecular anatomy of the cancer cell.

BLAST

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/BLAST/>

Alignement de séquence sur diverses banques de données avec la variante de ce logiciel: MegaBLAST. Cette page vous permet de réaliser différents alignements. BLASTn contre des banques d'Acides Nucléiques, BLASTp, pour des Acides Aminés, BLASTx pour aligner acides nucléiques et acides Aminés... Ce site permet également de restreindre les recherches selon différents critères avancés et sur les banques de données de votre choix. Le portail BLAST du NCBI présente l'avantage de lier ses résultats avec des banques unifiées comme LocusLink ou Unigene par exemple.

Structure

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov:80/entrez/query.fcgi?db=Structure>

The Molecular Modelling Database (MMDB) contains 3-D macromolecular structures, including proteins and polynucleotides. MMDB contains over 20,000 structures and is linked to the rest of the NCBI databases, including sequences, bibliographic citations, taxonomic classifications, and sequence and structure neighbors.

Domains and 3D domains

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov:80/entrez/query.fcgi?db=cdd>

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov:80/entrez/query.fcgi?db=Domains>

3D Domains are compact structural domains identified automatically in MMDB, Entrez's macromolecular three-dimensional structure database. 3D Domains are the units of comparison for structure neighbor calculations using the VAST algorithm. Links to VAST or 3D Domain neighbors display 3D Domains (and complete polypeptide chains) with similar 3D structures.

PopSet (Population)

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov:80/entrez/query.fcgi?db=popset>

A PopSet is a set of DNA sequences that have been collected to analyze the evolutionary relatedness of a population. The population could originate from different members of the same species, or from organisms from different species. They are submitted to GenBank via [Sequin](#) (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/Sequin/index.html>), often as a sequence alignment.

Annonces

Prix Le Monde de la recherche - 7ème édition -

Le Monde de l'éducation, avec le concours de la **Fondation de France**, de la **Fondation Charles Léopold Mayer**, de la **Fondation Evens** et celui de l'**Office universitaire de presse**, organise pour la septième année consécutive, le **Prix Le Monde** de la recherche universitaire. Cette opération - encouragée par le ministère délégué à la recherche et aux nouvelles technologies - vise à promouvoir les travaux de jeunes docteurs.

Pour les thèses de sciences humaines et sociales, ce concours permet, chaque année, la publication de **cinq essais** - version remaniée par les lauréats de leur thèse - dans " Partage du savoir " une **collection grand public** parrainée par **Edgar Morin** aux **Presses Universitaires de France**. La sélection est ouverte aux docteurs ayant soutenu leur thèse **entre le 1er octobre 2002 et le 30 novembre 2003**. Les inscriptions seront closes le 6 décembre prochain.

Pour les thèses de sciences de la vie, de la matière et de technologie, ce concours permettra de distinguer **20 jeunes docteurs** qui se verront proposer la **publication d'un article d'une vingtaine de pages** présentant leurs travaux à un large public. Ces 20 articles prendront place dans un volume supplémentaire de la collection PUF/Le Monde " Partage du savoir ". Cette sélection est ouverte aux docteurs ayant soutenu leur thèse **entre le 1er octobre 2001 et le 31 décembre 2003**. Les inscriptions seront closes le 5 janvier 2004.

Pour plus de renseignements : www.lemonde.fr/mde/prix

Conférences "Génome : mode d'emploi", saison 2003-2004

Voici le programme de conférences de la saison 2003-2004 de "Génome : mode d'emploi" dirigé par Catherine Demarcq au CCSTI-Grenoble.

Jeudi 16 octobre 2003: "**Du nouveau pour l'ADN ancien**", par Catherine Hänni du CGMC

Jeudi 20 novembre 2003 : "**Le fléau de Stephen King : mythes ou réalités des maladies infectieuses**" par Alain Jouan

Jeudi 18 décembre 2003 : "**Biodiversité : évaluation et évolutions du nombres d'espèces vivantes**" par Simon Tillier

Jeudi 22 janvier 2004 : "**Des gènes, des maladies et des hommes**" par Philippe Amouyel

Jeudi 26 février 2004 : "**La génétique au service des espèces menacées**" par Pierre Taberlet

Jeudi 22 avril 2004 : "**Puces à ADN et puces à cellules : des promesses pour la recherche**" par Alexandra Fuchs

Conférences à 18h30 à la maison du tourisme, Grenoble.

Entrée libre et gratuite

Informations : 04 76 44 88 80 - <http://www.ccsit-grenoble.fr>

Pour vous abonner gratuitement au Flash Info Biotech, envoyez un E-mail à FlashInfoBiotech-subscribe@yahooogroupes.fr. Pour donner votre opinion ou communiquer une information FlashInfoBiotech@yahooogroupes.fr et lire le FIB sur le web <http://biodocs.net/fib/index.htm> et pour connaître l'association BioDocs : <http://www.biodocs.net/>.